

## Executive summary

Pufferfish specimens were collected from twelve Provinces of Thailand, namely Chanthaburi, Trat, Ranong, Trang, Chumphon, Surat Thani, Nakhon Si Thammarat, Songkhla, Ayutthaya, Sakon Nakhon, Nakhon Phanom and Udon Thani. Thirteen pufferfish species, including *Diodon hystrix*, *D. liturosus*, *Chilomycterus orbicularis*, *Arothron reticularis*, *Lagocephalus spadiceus*, *L. lunaris*, *L. inermis*, *L. sceleratus*, *Tetraodon fangi*, *T. nigroviridis*, *T. fluviatilis*, *T. palembangensis*, *Takifugu oblongus*, were clearly classified base on morphology.

Total genomic DNA successfully extracted from almost species, except *T. palembangensis* and, *L. sceleratus*, and their nucleotide sequences of *12sRNA* and *Cytb* genes were analyzed. The alignment analysis of *12SrRNA* and *Cytb* sequences showed the appropriate sites and types of molecular markers for pufferfish species identification. Seven types of markers were developed and named as shown below.

Marker KU\_sRUF1 was a pair of universal primers for amplification and sequencing eleven species of pufferfish and thirteen other fish species. All obtained sequences were deposited to GenBank database.

Marker Mul\_ILS was a mixture of primers base on multiplex PCR method containing three pair primers for identification of the genus *Lagocephalus* including, *L. inermis*, *L. lunaris* and *L. spadiceus*.

Marker pfSR\_FLI66 was a species – specific primer for *L. inermis*.

Marker pfSR\_FLL678 was a species – specific primer for *L. lunaris*.

Marker pfSR\_FLS108 was a species – specific primer for *L. spadiceus*.

Marker MulCB\_TT was specific for species of the genus *Tetraodon* and it could separate *T. nigroviridis* from *T. fluviatilis* - *T. fangi* group.

Marker TFV\_BciVI based on PCR-RFLP method for *T. fluviatilis* and *T. fangi* identification.

The validations of all markers were tested using pufferfish and fourteen other fish species. All markers showed the high accuracy without the miss identification. Moreover, the other tests showed that the sample tissues for diagnosis by developed marker in this study could be both fresh and cooked tissues.

### บทคัดย่อ

เครื่องหมายโมเลกุล 7 ชนิดซึ่งตั้งชื่อว่า KU\_sRUF1, Mul\_ILS, pfSR\_FLI66, PfSR\_FLL678, pfSR\_FLS108, MulCB\_TT และ TFV\_BciVI ถูกพัฒนาขึ้นเพื่อระบุชนิดของปลาปักเป้าที่พบในประเทศไทย เครื่องหมาย KU\_sRUF1 เป็นคู่ไพรเมอร์ที่สามารถเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอเป้าหมายและหาลำดับนิวคลีโอไทด์ได้จากดีเอ็นเอต้นแบบจากปลาหลายชนิด (universal primer) ผลการใช้เครื่องหมาย KU\_sRUF1 กับปลาปักเป้าตัวอย่างที่รวบรวมได้ พบว่าสามารถหาลำดับนิวคลีโอไทด์ปลาปักเป้าได้ 11 ชนิด คือ *Diodon hystrix* *D. liturosus* *Chilomycterus orbicularis* *Arothron reticularis* *Lagocephalus spadiceus* *L. lunaris* *L. inermis* *Tetraodon fangi* *T. nigroviridis* *T. fluviatilis* และ *Takifugu oblongus* กับปลาอื่นๆ ที่ไม่ใช่ปลาปักเป้าอีก 13 ชนิด เครื่องหมาย Mul\_ILS ใช้เทคนิค multiplex PCR ประกอบด้วยไพรเมอร์ 3 คู่ สามารถใช้ระบุชนิดปลาปักเป้าสกุล *Lagocephalus* 3 ชนิด คือ *L. spadiceus* *L. lunaris* และ *L. inermis* เครื่องหมาย pfSR\_FLI66 pfSR\_FLL678 และ pfSR\_FLS108 เป็นคู่ไพรเมอร์ที่จำเพาะต่อปลาปักเป้าชนิด *L. spadiceus* *L. lunaris* และ *L. inermis* ตามลำดับ เครื่องหมาย MulCB\_TT เป็นเครื่องหมายที่ใช้เทคนิค multiplex PCR มีความจำเพาะต่อปลาปักเป้าสกุล *Tetraodon* และสามารถแยกชนิด *T. nigroviridis* ออกจากกลุ่มของชนิด *T. fluviatilis* – *T. fangi* ได้ เครื่องหมาย TFV\_BciVI เป็นเครื่องหมายที่ใช้เทคนิค PCR-RFLP ใช้ระบุชนิดปลาปักเป้า *T. fluviatilis* และ *T. fangi* เครื่องหมายทุกชนิดผ่านการทดสอบความแม่นยำในการระบุชนิดโดยใช้ตัวอย่างที่ทดสอบเป็นปลาปักเป้าชนิดต่างๆ และปลาที่ไม่ใช่ปลาปักเป้า ผลจากการทดสอบแสดงให้เห็นว่าเครื่องหมายที่ได้มีความแม่นยำสูงมาก นอกจากนี้เครื่องหมายที่พัฒนาขึ้นยังถูกทดสอบกับดีเอ็นเอต้นแบบที่สกัดจากเนื้อปลาสดและเนื้อปลาแปรรูป (ลูกชิ้นปลา) พบว่าสามารถระบุชนิดได้เช่นเดียวกัน

### Abstract

Seven types of molecular makers for identification of pufferfish species were developed namely KU\_sRUF1, Mul\_ILS, pfSR\_FLI66, PfSR\_FLL678, pfSR\_FLS108, MulCB\_TT and TFV\_BciVI. Marker KU\_sRUF1 was a pair of universal primers for sequencing eleven species of pufferfish including *Diodon hystrix*, *D. liturosus*, *Chilomycterus orbicularis*, *Arothron reticularis*, *Lagocephalus spadiceus*, *L. lunaris*, *L. inermis*, *Tetraodon fangi*, *T. nigroviridis*, *T. fluviatilis* and *Takifugu oblongus*, and fourteen other fish species. Marker Mul\_ILS, based on multiplex PCR method, was a mixture of six primers used for identification of pufferfish of the genus *Lagocephalus*. Markers pfSR\_FLI66, PfSR\_FLL678 and pfSR\_FLS108 were species-specific primers for *L. inermis*, *L. lunaris* and *L. spadiceus*, respectively. Marker MulCB\_TT, based on multiplex PCR method, was a mixture of three primers for separation of *T. nigroviridis* from the *T. fluviatilis* – *T. fangi* group. While, marker TFV\_BciVI could segregate *T. fluviatilis* from *T. fangi*. The efficiency of each marker was tested with sample tissues of pufferfish and other fishes. The results showed that all markers have high accuracy for pufferfish identification. Moreover, they worked well with both fresh and cooked tissues.