

Project Title: Effects of genetic distance of parental lines on DNA methylation and transposon expansion in hybrid rice

Investigator: Laksana Kantama

Division Biology, Faculty Liberal Arts and Science, Kasetsart University, Kamphaengsaen
Campus, Nakhon Pathom

E-mail Address: faaslsk@ku.ac.th, lkantama@yahoo.com

Project Period: 2007-2009

Abstract

In breeding, inter- and intraspecific hybridization is the key process for introgressing exogenous traits into the germplasm of the recipient crop. Such crosses between the crop and the related or distant may induce epigenetic changes that can have an impact on both gene expression and phenotype. Previous studies have indicated such epigenetic alteration in rice but fail to understand if and how genetic distance of parental lines has an effect on the epigenome. Here we address the question if genetic distances are related to epigenetic changes as judged from DNA methylation assays. Our extensive study was done on comparisons of 24 rice cultivars with genetic distances varying from 0.35 to 1.04. Although changes in DNA methylation was most obvious, they turned out not to be correlated with Nei's index, the measure of overall genetic distances. We then extended our study on specific methylation patterns in DNA regions containing the miniature inverted repeat transposable element of rice, Stowaways Os-1, to explore the possibility of reactivation of this transposon. The reactivation in these transpositions of the Stowaway did appear and was found in 2.2% of the hybrids, a value that is not correlated with the overall DNA methylation change of the genome. Our study clearly demonstrated that interspecific hybridizations can induce both global DNA methylation and reactivation of the Stowaway transposon. The way how this reactivation takes place seems more a matter of specific parental combination rather than the consequence of a global methylation change. This study is also the first description of a Stowaway reactivation in rice, a phenomenon that has been predicted in previous transposon studies. In future studies we also will analyze as to whether such reactivation that will have an impact on phenotype of the hybrids involved.

Keyword: *Oryza sativa*, intraspecific hybridization, DNA methylation, transposon, epigenetics

รหัสโครงการ: MRG5080196

ชื่อโครงการ: ผลของความแตกต่างทางพันธุกรรม (Genetic similarity) ของรุ่นพ่อแม่ที่มีผลต่อ DNA methylation และการเพิ่มระดับของ Transposon ในข้าวลูกผสม

ชื่อหลักวิจัย: น.ส.ลักษณา กันทะมา

คณะศิลปศาสตร์และวิทยาศาสตร์ ม.เกษตรศาสตร์ วิทยาเขตกำแพงแสน นครปฐม

E-mail Address: faaslsk@ku.ac.th, lkantama@yahoo.com

ระยะเวลาโครงการ: 2550-2552

บทคัดย่อ ในการปรับปรุงพันธุ์พืชการผสมข้ามเป็นวิธีที่น่าสังเกตที่ต้องการจากพ่อแม่มาสู่ลูก แต่การผสมข้ามทำให้เกิดลักษณะนอกเหนือจากการเปลี่ยนแปลงลักษณะทางพันธุกรรมคือการเปลี่ยนแปลงทางอีพิเจเนติกส์ซึ่งมีผลต่อการลักษณะฟีโนไทป์ จากการศึกษาในอดีตทราบว่า การผสมข้ามสปีชีส์ทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงทางอีพิเจเนติกส์อย่างมาก แต่ไม่มีการศึกษาหาความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของพ่อแม่ว่ามีผลต่อการเปลี่ยนแปลงทางอีพิเจเนติกส์หรือไม่ อย่างไร ดังนั้นในการศึกษานี้เราต้องการทราบว่าระดับความแตกต่างทางพันธุกรรม (genetic distance) ของพ่อแม่มีผลต่อการเปลี่ยนแปลงทางอีพิเจเนติกส์หรือไม่ โดยทดสอบในข้าวที่มีความแตกต่างทางพันธุกรรมตั้งแต่ 0.35-1.04 มาทดสอบหาความถี่ของการเปลี่ยนแปลง DNA methylation พบว่า ความแตกต่างทางพันธุกรรมไม่มีความสัมพันธ์กับการเปลี่ยนแปลงของ DNA methylation นอกจากนี้เราได้ทดสอบการตื่นตัวของ transposon ที่มักเป็นผลจากการเปลี่ยนแปลงทางอีพิเจเนติกส์ พบว่า การตื่นตัวของทรานโพซอนที่เลือกศึกษา คือ Stowaway Os-1 ไม่มีความสัมพันธ์กับระดับ DNA methylation ที่เปลี่ยนแปลง จากการศึกษาพบว่า การผสมภายในสปีชีส์ชักนำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงทางอีพิเจเนติกส์ได้เช่นเดียวกับการผสมข้ามสปีชีส์ ปัจจัยที่ชักนำอาจไม่ใช่ความแตกต่างทางลำดับเบสบน DNA แต่อาจเป็นปัจจัยที่เกิดจากปฏิสัมพันธ์ร่วมของสายพันธุ์พ่อแม่ และเป็นการพบการตื่นตัวของ Stowaway Os-1 ครั้งแรกในข้าวซึ่งยังไม่มีรายงานมาก่อนการตื่นตัวนี้เกิดขึ้นในระดับ 28-39% คาดว่าน่าจะมีผลกระทบต่อลักษณะฟีโนไทป์ซึ่งจะได้มีการศึกษาต่อไป

คำหลัก: ข้าว, การผสมภายในสปีชีส์, ดีเอ็นเอเมทิลเลชัน, ทรานโพซอน, อีพิเจเนติกส์

กิตติกรรมประกาศ