

Abstract

An experiment was conducted to study combining abilities of two cytoplasmic male sterile lines and six fertility restorer lines; and also, to investigate the correlation between genetic distance and heterosis in the hybrids. A total of 123 alleles were detected using 56 polymorphic SSR markers over the 8 parents. The cluster analysis using unbiased distance matrix grouped the parents into 3 groups. Group I contained four varieties (CNT1, RD31, CHA and SPR1), while groups II contained three varieties (CH4, CH1 and SPR2). Group III contained a single variety IR80151A. Positive heterobeltiosis estimates were found from cross combinations of IR80151A with CH4, CH1 and SPR2 with values of 122.69, 77.07 and 14.32, respectively. Similarly, positive standard heterosis was found for cross combinations of IR80151A with CH1 and CH4 with values of 30.43 and 11.8, respectively. The correlation coefficients of genetic distance with heterobeltiosis and standard yield heterosis were 0.188 and -0.07, respectively. IR80151A was distantly related to the lines under study, it also had appreciable genetic distance from CH4 and CH1. Moreover, it had positive and higher value of heterobeltiosis and standard heterosis. Therefore, the combination of this variety with CH4 and CH1 could be exploited in heterosis breeding.

Keywords : Genetic distance; Heterosis; Rice; SSR marker

Project Code : MRG5380040

Project Title : Genetic distance of parental lines and its relationship to hybrid performance and heterosis in rice (*Oryza sativa* L.)

Investigator : Assist. Prof. Dr. Tanee Sreewongchai

Department of Agronomy, Faculty of Agriculture, Kasetsart University

E-mail Address : agrtns@ku.ac.th

Project Period : 2 years

บทคัดย่อ

การทดลองเพื่อศึกษาสมรรถนะการร่วมตัวเพื่อให้ได้ผลผลิตสูงของ 2 สายพันธุ์ที่มีลักษณะของเกรสเป็น
หมันเนื่องจากการทำงานร่วมกันของยีนในนิวเคลียสและไซโตพลาสซึม และ 6 สายพันธุ์พันธุ์อื่น เพื่อ
ประเมินความสัมพันธ์ระหว่างความแตกต่างทางพันธุกรรมกับลักษณะดีเด่นของผลผลิตเห็นอีกอย่าง
ลูกผสม โดยประเมินความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมจากข้อมูล 123 อัลลิลจาก 56 เครื่องหมายดีเอ็นเอแบบ
SSR ผลการทดลองพบว่าการทดสอบระหว่างพันธุ์ IR80151A กับ CH4 CH1 และ SPR2 โดยมีค่าความดีเด่น
เห็นอีกอย่างลูกผสม 122.69 77.07 และ 14.32 ตามลำดับ และมีค่าความดีเด่นเห็นอีกพันธุ์เปรียบเทียบ
ในลูกผสมมีค่า 30.43 และ 11.8 ตามลำดับ ซึ่งค่าความสัมพันธ์ระหว่างความแตกต่างทางพันธุกรรมกับ
ลักษณะดีเด่นเห็นอีกอย่างลูกผสมทั้ง 2 นี้มีค่า 0.188 และ -0.07 ตามลำดับ สายพันธุ์ IR80151A มี
ความต่างทางพันธุกรรมกับสายพันธุ์อื่นมากที่สุดโดยเฉพาะกับพันธุ์ CH4 และ CH1 ดังนั้นคุณสมบัติ 2 นี้
สามารถนำมาใช้อธิบายปรากฏการณ์ของความแตกต่างทางพันธุกรรมกับลักษณะดีเด่นเห็นอีกอย่าง
ผลผลิตได้

คำหลัก : ความแตกต่างทางพันธุกรรม, ลักษณะดีเด่นเห็นอีกอย่าง, เครื่องหมายดีเอ็นเอแบบ SSR

รหัสโครงการ : MRG5380040

ชื่อโครงการ : ความสัมพันธ์ระหว่างความแตกต่างทางพันธุกรรมของพ่อแม่กับการแสดงออกของลักษณะ
ดีเด่นด้านผลผลิตข้าวลูกผสม

ชื่อนักวิจัย : ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.รานี ศรีวงศ์ชัย
ภาควิชาพืชไร่นา คณะเกษตร มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์

E-mail Address : agrtns@ku.ac.th

ระยะเวลาโครงการ : 2 ปี