รหัสโครงการ: MRG5480289

ชื่อโครงการ: การสลับโครงสร้างไซโลกลูแคนที่แตกต่างกันระหว่างข้าวและอะราบิดอบซิสเพื่อบ่งชี้ หน้าที่ใน

ผนังเซลล์พืช

ชื่อนักวิจัย: ดร. ศุภชัย วุฒิพงศ์ชัยกิจ

อีเมลล์ : fsciscv@ku.ac.th ระยะเวลาโครงการ : 2 ปี

## บทคัดย่อ

ไซโลกลูแคนเป็นเฮมิเซลลูโลสที่มีความสำคัญต่อการทำหน้าที่ของผนังเซลล์ในการควบคุมการเจริญและ การสังเคราะห์ใชโลกลูแคนประกอบไปด้วยเอนไซม์หลายชนิดที่ทำหน้าที่ร่วมกัน พัฒนาของพืช xylosyltransferase (XXT) ทำหน้าที่สำคัญและมีผลต่อการควบคุมการสังเคราะห์ทั้งโครงสร้าง ไซโลกลูแคนมี โครงสร้างที่แตกต่างกัน 2 ชนิดระหว่างพืชใบเลี้ยงคู่กับใบเลี้ยงเดี่ยว โดยคาดว่าเอนไซม์ XXT น่าจะเป็นตัว ควบคุมความแตกต่างของโครงสร้างนี้ งานวิจัยนี้จึงเป็นการทดสอบถึงการควบคุมการสังเคราะห์ใซโลกลูแคนที่มี โครงสร้างที่แตกต่างกันโดยใช้อะราบิดอบซิสเป็นตัวแทนพืชใบเลี้ยงคู่และข้าวเป็นตัวแทนพืชใบเลี้ยงเดี่ยว ศึกษาผลของการสลับโครงสร้างที่แตกต่างกันต่อการเจริญและพัฒนาของพืช งานวิจัยดำเนินการโดยการโคลนยืน XXT ทั้ง 5 ยีนจากข้าวแล้วถ่ายฝากเข้าสู่อะราบิดอบซิสายพันธุ์กลายที่มีการทำลายยืน XXT ของตนเองเพื่อให้ เห็นผลยืนของการทำงานของยืนข้าว และถ่ายยืน XXT ของอะราบิดอบซิสเข้าสู่ข้าว จากการทดลองสามารถ โคลนยืนข้าวและสร้างพลาสมิดสำหรับการถ่ายยืนได้แล้วทั้ง 5 ยืน ผลจาก RT-PCR ยืนยันได้ว่ายืนที่ถ่ายเข้าไปมี การแสดงออกในระดับอาร์เอ็นเอจริง ส่วนการถ่ายยืนจากอะราบิดอพซิสเข้าสู่ข้าวนั้นมีอุปสรรคเนื่องจากจากการ ชักนำแคลลัสที่ได้รับยืนให้เป็นต้นนั้นมีอัตราส่วนที่ต่ำและผลจากน้ำท่วมทำให้การทดลองนี้ทำได้ไม่สำเร็จ เพื่อได้ ข้อมูลเพิ่มเติมเกี่ยวกับหน้าที่ของเอนไซม์ XXT ของข้าวผู้วิจัยได้ทำการผลิตโปรตีนชนิดนี้ใน E. coli และทำการ แยกให้บริสุทธิ์ก่อนทดสอบปฏิกิริยาของเอนไซม์ แต่ตรวจไม่พบปฏิกิริยาของเอนไซม์นี้ ดังที่สามารถตรวจได้จาก เอนไซม์ XXT ของอะราบิดอพซิส เมื่อตรวจสอบการสังเคราะห์ใซโลกลูแคนโดยยืนที่ถ่ายเข้าไปในต้นอะราบิดอบ ซิสพันธุ์กลายด้วยวิธีตรวจสอบทางอิมมูโนพบว่ายืน 3 ยืนจากข้าวสามารถสร้างไซโลกลูแคนได้ในสายพันธุ์กลาย ชนิด xxt2 4 5 แต่ไม่สามารถสังเคราะห์ได้ในสายพันธุ์ xxt1 xxt2 โดยตรวจสอบพบเฉพาะโมเลกุลแกนหลัก (backbone) แต่ตรวจไม่พบกิ่งด้านข้างของน้ำตาลฟูโคส ทั้งนี้เป็นการแสดงในขั้นต้นว่ายืนทั้ง เกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์ใชโลกลูแคนและสามารถสังเคราะห์ได้ในต้นอะราบิดอบซิส การทดลองต่อไปจะเป็น การรวบรวมอะราบิดอพซิสที่ได้รับการถ่ายยืนที่และเป็นสายพันธุ์แท้ (homozygous) ก่อนทำการวิเคราะห์การ สังเคราะห์ใชโลกลูแคนและผลต่อการเจริญเติบโตและพัฒนาของต้นอะราบิดอบซิสต่อไป

คำสำคัญ: ผนังเซลล์ ไซโลกลูแคน การเจริญและพัฒนาของพืช

## Abstract

Project Code: MRG5480289

Project Title: Swapping of different xyloglucan backbone structures between rice and Arabidopsis to

indicate their functional roles in plant cell walls.

Investigator: Dr. Supachai Vuttipongchaikij

E-mail Address : fsciscv@ku.ac.th

Project Period: 2 years

Abstract

Xyloglucans (XyGs) are important hemicellulose polymers that play role in cell walls for controlling plant growth and development. A number of enzymes are required for coordinately synthesizing these polymers. Especially, xylosyltransferase is a key enzyme that responsible for the whole biosynthesis process. XyG structures have been divided into two groups based on their backbone structures between monocots and dicots, and it is believed that XXTs are likely to be the key enzyme for this difference. This project aims to characterize the function of rice XXTs in XyG biosynthesis and the role of different XyG structures in plant growth and development by using Arabidopsis and rice as models for dicots and monocots respectively. This work proceeds by cloning and overexpression of five rice XXTs in Arabidopsis XXT knockout mutants and, in parallel, expressing Arabidopsis XXTs in rice. Five rice XXTs were successfully cloned and a number of Arabidopsis transformants with rice XXT were selected. RT-PCR analysis indicated that the transferred genes were expressed at transcript levels. However, rice transformation by using Arabidopsis XXTs was unsuccessful due to low rate of shoot re-generation rate of transformed calli, and Thailand flood event in the past year. To gain more information from these genes, recombinant enzyme of five rice XXTs were produced by E. coli and enzyme activity was tested. However, no xylosyltransferase activity was detected, unlike what was previously observed by using Arabidopsis XXT recombinant enzymes. Immunolabelling using XyG specific antibodies in transformed Arabidopsis mutants showed that three rice XXTs could produce XyG in xxt2 4 5 mutant but not in xxt1 xxt2 mutants. The labeling also showed that the present of XyGs was due to the backbone structure, not for fucose side chains. This indicated that these three genes were indeed XTTs and could synthesize XyGs in Arabidopsis. Nevertheless, further studies from Arabidopsis transformed with rice XXTs are required especiallythose that involved analyzing xyloglucan biosynthesis and its impact on plant growth and development.

Key words: Plant cell wall, xyloglucan, plant growth and development