

บทคัดย่อ

สัญญาเลขที่: PDF/30/2540

ชื่อโครงการ: การวิเคราะห์ TAP ยีนในประชากรไทยและความสัมพันธ์
กับโรคข้ออักเสบรูมาตอยด์

คณะผู้ดำเนินการวิจัย พญ.ศศิจิต เวชแพศย์¹, ร.ศ. พญ. เล็ก ปรีวิสุทธ์², โคมล หลวงตระกูล¹,
พรรณพิมล หลวงตระกูล¹ ภาควิชาเวชศาสตร์การธนาคารเลือด¹ และภาควิชาอายุรศาสตร์²
คณะแพทยศาสตร์ศิริราชพยาบาลมหาวิทยาลัยมหิดล

E-mail Address: sisve@mahidol.ac.th

ระยะเวลาที่ทำการวิจัย 2 ปี

วัตถุประสงค์

1. ศึกษาความถี่ของ TAP 1 และ TAP 2 Allele ในประชากรไทย (กรุงเทพ ฯ) จำนวน 100 รายและเปรียบเทียบกับที่มีรายงานแล้วในเชื้อชาติอื่น
2. ศึกษา linkage ของ TAP ยีน และ HLA class II ยีนในประชากรไทย (กรุงเทพ ฯ)
3. ศึกษาความสัมพันธ์ของ TAP1 และ TAP 2 ยีนต่อการเกิดโรครูมาตอยด์ในคนไทย (กรุงเทพ ฯ)

ระเบียบวิธีวิจัย

1. กลุ่มประชากรที่ศึกษา: ผู้ป่วยโรคข้ออักเสบรูมาตอยด์จำนวน 50-100 ราย และประชากรไทย (กรุงเทพ ฯ) จำนวน 100 ราย
2. การตรวจทางห้องปฏิบัติการ: ตรวจ TAP 1 และ TAP 2 ยีน โดยวิธี ARMS-PCR
3. การวิเคราะห์ข้อมูล: การเปรียบเทียบข้อมูลทางสถิติใช้ Chi-square test

ผลการศึกษา: ในประชากรไทยสามารถตรวจพบ TAP1 ได้ 4 อัลลีล คือ TAP1A, 1B, 1C และ 1D และตรวจพบ TAP2 ได้ 5 อัลลีล คือ TAP2A, 2B, 2C, 2D และ 2E โดยมีความถี่คล้ายคลึงกับที่พบในเชื้อชาติอื่น การเปรียบเทียบความถี่ของ TAP 1 และ TAP 2 ยีนในผู้ป่วยโรคข้ออักเสบรูมาตอยด์ และคนไทยปกติไม่พบมีความแตกต่างอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ

สรุปสาระสำคัญ: TAP1 และ TAP2 ยีนไม่มีบทบาทสำคัญต่อการเกิดโรคข้ออักเสบรูมาตอยด์ในประชากรไทย

ข้อเสนอแนะ: HLA ยีนน่าจะเป็นยีนที่มีบทบาทสำคัญที่สุดต่อการเกิดโรคข้ออักเสบรูมาตอยด์

Keywords: TAP, rheumatoid arthritis

Abstract

Project Code: PDF/30/2540

Project Title: Analysis of Transporter associated with antigen processing (TAP) gene in Thai population and its association with Rheumatoid Arthritis

Investigators: Sasijit Vejbaesya¹, Lek Parivisut², Komol Luangtrakool¹, Panpimon Luangtrakool¹

¹Department of Transfusion Medicine, ²Department of Medicine, Faculty of Medicine Siriraj Hospital, Mahidol University

E-mail Address: sisve@mahidol.ac.th

Project Period: 2 years (1 August 1997-31 July 1999)

Objectives:

- 1.To study the allele frequencies of TAP1 and TAP2 genes in the normal Thai population.
- 2.To study linkage disequilibrium between TAP and HLA genes
- 3.To study the association of TAP1 and TAP2 genes with Thai rheumatoid arthritis

Methodology:

Study population: 50-100 rheumatoid arthritis patients and 100 unrelated normal individuals

Method: TAP1 and TAP2 were typed by ARMS-PCR

Statistical analysis: Chi-square test with yates correction

Results: In the normal population, TAP1 presents 4 alleles: TAP1A, 1B, 1C and 1D and TAP2 presents 5 alleles: TAP2A, 2B, 2C, 2D and 2E. The antigen frequencies of TAP1 and TAP2 genes are similar to those found in other populations. Comparison of TAP1 and TAP2 allele frequencies between the patients and normal controls showed no significant differences.

Discussion and Conclusion: TAP1 and TAP2 genes do not confer susceptibility to rheumatoid arthritis in Thai population.

Suggestions: It should be the HLA genes that primarily associated with rheumatoid arthritis.

Keywords: TAP, rheumatoid arthritis