

## Abstract

New drugs are needed to overcome antimicrobial resistance. Riboswitches are promising new antibiotic targets that are widespread among different bacteria. Glucosamine (GlcN)-6-phosphate synthetase (*glmS*) gene activity in many bacterial species, including pathogens is controlled by a cis-regulatory riboswitch. The riboswitch undergoes self-cleavage in the presence of GlcN-6-phosphate (GlcN6P). Compounds that can activate the *glmS* riboswitch self-cleavage (ribozyme) activity could reduce the level of GlcN6P below the level needed for bacterial growth and thus act as effective, broad spectrum antibiotics. However, simple tools for screening *glmS* riboswitch activators are not available. In this study, an *Escherichia coli* cell-based system was established for facile characterization of ribozyme activity that could be used to screen compounds that can activate inducible ribozymes such as the *glmS* riboswitch. DNA cassettes were constructed for expression of reporter protein (toxic E protein, green fluorescent protein [GFP] and enhanced GFP-human dihydrofolate reductase [EGFP-hDHFR]) and RNaseJ1 enzyme required for degradation of ribozyme-cleaved RNA product in *E. coli*. The system was tested initially by cloning the reporter and RNaseJ1-encoding genes on separate plasmids. Active and inactive versions of the *glmS* and hammerhead (HH) ribozyme were inserted upstream of the reporter gene's Shine-Dalgarno sequence. The reporter activities in *E. coli* co-transformants were measured as growth inhibition, GFP fluorescence, and trimethoprim resistance phenotype or EGFP fluorescence, respectively. RNaseJ1 production was detected by western immunodetection assay. It was found that productions of reporters and RNaseJ1 were inconsistent, possibly due to variable plasmid copy number in the co-transformants. To overcome the inconsistency of protein productions, *egfp-hdhfr* reporter and RNaseJ1-encoding genes were integrated into non-essential chromosomal genes of *E. coli* BL21(DE3). A significant 30% reduction of EGFP reporter was observed in double integrants expressing RNaseJ1 and reporter with active ribozyme, whereas reporter activity was unchanged in integrants lacking RNaseJ1 or with inactive ribozyme upstream of the reporter gene. The double integrant was thus validated as a system for assessing ribozyme activity. However, the *glmS* riboswitch appeared to be active without exogenous GlcN inducer, suggesting that GlcN6P is naturally present in *E. coli* at levels high enough to fully activate the *glmS* riboswitch. Although the *E. coli* cell system is not suitable for screening of *glmS* riboswitch-targeting compounds, other sequences could be tested for ribozyme activity using the system.

Keywords: *glmS* riboswitch, drug target, antibiotic, *Escherichia coli* screening system, reporter gene

## บทคัดย่อ

ปัจจุบันมีความจำเป็นในการพัฒนาสายปฏิชีวนะที่มีเป้าหมายของยาใหม่ เพื่อใช้ในการต้านเชื้อแบคทีเรียดื้อยาซึ่งเป็นปัญหาใหญ่ของโรคติดเชื้อทั่วโลก มีรายงานพบว่ากลิมเอสโรบสวิตช์ (*glmS* riboswitch) สามารถเป็นเป้าหมายของยาต้านแบคทีเรียได้ โรบสวิตชนี้พบในตำแหน่ง 5' ที่ไม่ถูกแปลรหัสเป็นโปรตีนของยีน *glmS* ซึ่งเป็นยินสำคัญในการสังเคราะห์ *GlcN6P* ในแบคทีเรียหลายชนิดรวมทั้งเชื้อแบคทีเรียก่อโรค การแสดงออกของยีน *glmS* จะถูกควบคุมด้วยโรบสวิตช์ โดย *GlcN6P* จะจับที่ลำดับบนสารอีนเอของโรบสวิตช์และกระตุนให้โรบสวิตช์ตัดตัวเอง ออกทำให้เกิดการลดการแสดงออกของยีนได้ หากมีสารที่เหนี่ยวนำการตัดตัวเองออกของกลิมเอสโรบสวิตช์และทำให้ปริมาณ *GlcN6P* ลดลง สารนั้นจะสามารถยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อแบคทีเรีย และอาจนำมาพัฒนาเป็นยาปฏิชีวนะที่มุ่งเป้าต่อกลิมเอสโรบสวิตช์ได้ อย่างไรก็ตาม ยังไม่มีวิธีการคัดกรองสารเหล่านี้นำกลิมเอสโรบสวิตช์ในระดับเซลล์แบคทีเรียแบบง่าย งานวิจัยนี้จึงมีเป้าหมายในการสร้างระบบเซลล์อีโคไล (*Escherichia coli*) เพื่อการคัดกรองสารที่สามารถเหนี่ยวนำกลิมเอสโรบสวิตช์ได้ คละผู้วิจัยฯ ได้สร้างเชื้ออีโคไลตัดแบ่งพันธุกรรมที่มีพลาสมิดรายงานผลและพลาสมิดสำหรับการสร้างเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวัน (*RNAseJ1*) ซึ่งทำหน้าที่ย่อยสารอีนเอที่เกิดจากการตัดตัวเองของโรบไซม์ในเชื้ออีโคไล พลาสมิดรายงานผลมีลำดับเบสของยีนรายงานผล อันได้แก่ ยีนโปรตีนอีที่เป็นพิธีต่อเซลล์แบคทีเรีย (*E protein*) ยีนโปรตีนเรืองแสงสีเขียว (*GFP*) และยีนโปรตีนเรืองแสงสีเขียว *EGFP* ร่วมกับโปรตีนไดโอดิฟเฟรเดตติคเทศของมนุษย์ (*EGFP-hDHFR*) โดยมีการแทรกลำดับเบสของกลิมเอสโรบสวิตช์ทั้งชนิดปกติและชนิดไม่ตัดตัวเอง และแ xenomeroxyed โรบไซม์ชนิดปกติและชนิดไม่ตัดตัวเอง เข้าที่ส่วนหน้าของยีนรายงานผล จากนั้นตรวจสอบโปรตีนรายงานผลเพื่อศึกษาการทำงานของโรบสวิตช์ โดยการวัดการเจริญเติบโต สัญญาณการเรืองแสงสีเขียว และการตื้อต่อยาไตรเมทโทรอพิมหรือการเรืองแสงสีเขียว *EGFP* ในเชื้ออีโคไลตัดแบ่งพันธุกรรมที่มียีนรายงานผลดังกล่าวข้างต้น ตามลำดับ และตรวจสอบเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวันด้วยวิธีเทิร์นบล็อกจากการตรวจสอบพบว่าการผลิตโปรตีนรายงานผลและเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวันในเชื้ออีโคไลตัดแบ่งพันธุกรรมไม่คงที่ ซึ่งอาจเนื่องมาจากการจำแนกพลาสมิดในเชื้อ มีความแปรปรวนในแต่ละการทดลอง คละผู้วิจัยฯ จึงได้ทำการสร้างเชื้อตัดแบ่งพันธุกรรมแบบอินติเกรนที่มีการแทรกยีนโปรตีน *EGFP-hDHFR* และยีนเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวันเข้าที่ตำแหน่งยีนไม่สำคัญในจีโนมของเชื้ออีโคไล *BL21(DE3)* เพื่อควบคุมให้จำนวนยีนรายงานผลและยีนเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวันมีหนึ่งต่อหนึ่งเชื้อ ในเชื้ออีโคไลอินติเกรนที่มีที่ยีนรายงานผลภายใต้การควบคุมของกลิมเอสโรบสวิตช์ และยีนเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวัน พบว่าปริมาณการเรืองแสงสีเขียว *EGFP* ลดลง 30% เมื่อเทียบกับเชื้ออีโคไลอินติเกรนที่ไม่มีกลิมเอสโรบสวิตช์หรือไม่ผลิตเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวัน แสดงให้เห็นถึงการทำงานของกลิมเอสโรบสวิตช์ และเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวันในระบบเชื้ออีโคไล อย่างไรก็ตามการทำงานของกลิมเอสโรบสวิตช์ดังกล่าวเกิดขึ้นโดยไม่อาศัยการเหนี่ยวนำด้วย *GlcN6P* จาภัยนอกเซลล์ ซึ่งมีความเป็นไปได้ว่า *GlcN6P* ภายในเซลล์อีโคไลมีปริมาณเพียงพอต่อการเหนี่ยวนำให้กลิมเอสโรบสวิตช์ตัดตัวเองออก และอาร์เอ็นที่ถูกตัดถูกย่อโดยด้วยเอนไซม์อาร์เอ็นเอสเจวัน โดยสรุป ถึงแม้ว่าระบบเซลล์อีโคไลในงานวิจัยนี้จะไม่เหมาะสมต่อการใช้คัดกรองสารออกฤทธิ์มุ่งเป้ากลิมเอสโรบสวิตช์ อย่างไรก็ตาม ระบบเซลล์อีโคไลสามารถใช้ทดสอบการทำงานของโรบไซม์ชนิดอื่นๆ ได้

คำหลัก: กลิมเอสโรบสวิตช์, เป้าหมายยา, ยาปฏิชีวนะ, ระบบคัดกรองสารแบบเซลล์อีโคไล, ยีนรายงานผล